

Le lymphome B diffus à grandes cellules : impact pronostic de la cellule d'origine.

Introduction

Le lymphome diffus à grandes cellules B (LDGCB) est le lymphome non hodgkinien le plus fréquent, représentant 30 à 40 % des cas.

Il s'agit d'une entité biologiquement hétérogène dont la classification selon la cellule d'origine (COO) identifie deux sous-types aux trajectoires cliniques distinctes.

Le sous-type GCB (centro-germinatif) dérive de lymphocytes B du centre germinatif. Le sous-type non-GCB / ABC (activé) est issu de lymphocytes B engagés dans la différenciation plasmocytaire.

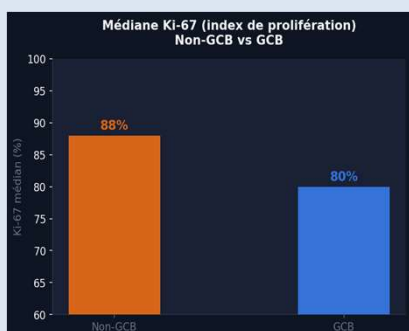
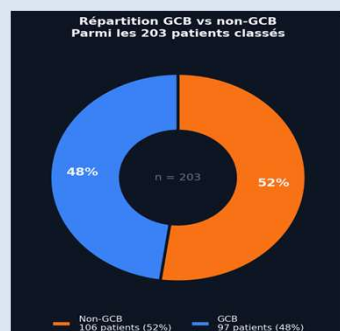
En pratique courante, l'algorithme immunohistochimique de Hans (CD10, BCL6, MUM1) constitue un substitut accessible au profilage d'expression génique moléculaire.

Objectif : déterminer l'impact de la distinction entre les sous-types GCB (Centre Germinatif) et Non-GCB sur le pronostic du lymphome B diffus à grandes cellules.

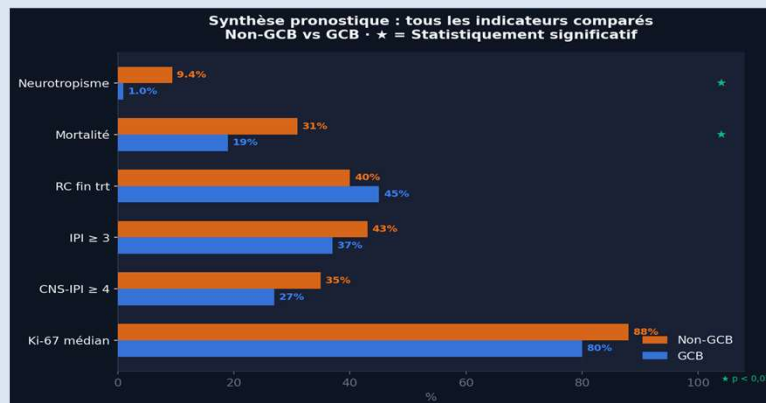
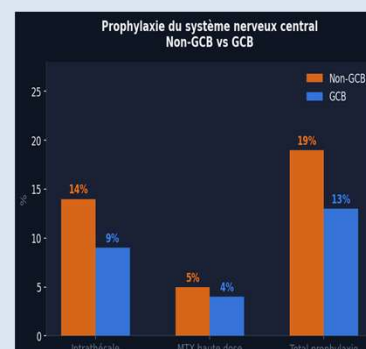
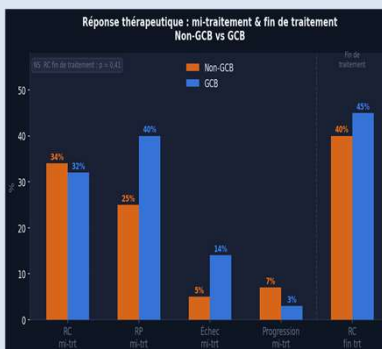
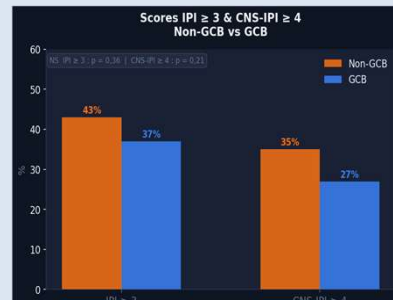
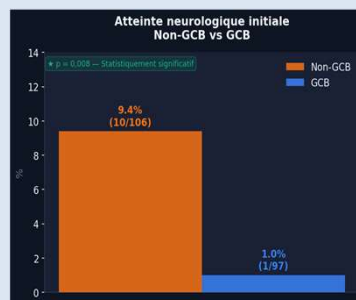
Patients et méthodes

Paramètre	Détail
Type d'étude	Rétrospective monocentrique
Centre	CHU Ibn Rochd · Casablanca
Période	Janvier 2016 – Décembre 2024
Effectif total	468 cas de LDGCB colligés
Classification COO	Algorithme de Hans (CD10, BCL6, MUM1)
Classés	203 patients (43 %)

Résultats



Résultats



Conclusion

Cette étude confirme le pronostic défavorable du sous-type non-GCB, caractérisé par un neurotropisme significativement plus marqué et une mortalité supérieure.

Ces résultats plaident en faveur d'une stratification thérapeutique adaptée au profil COO, notamment un renforcement de la prophylaxie neuroméningée pour le sous-type non-GCB, et l'évaluation d'approches ciblées associées au R-CHOP dans les formes à haut risque.

références

- 1) Chapuy B, Stewart C, Dunford AJ, Kim J, Kamburov A, Redd RA, et al. Molecular subtypes of diffuse large B cell lymphoma are associated with distinct pathogenic mechanisms and outcomes. *Nat Med*. 2018;24(5):679–90.
- 2) Phang KC, Akhter A, Tizen NMS, et al. Comparison of protein-based cell-of-origin classification to the Lymph2Cx RNA assay in a cohort of diffuse large B-cell lymphomas in Malaysia. *J Clin Pathol*. 2018;71(3):215–220.